

Aula 14 - Árvore Geradora Mínima

Luís Felipe

UFF

19 de Maio de 2026

A estratégia gulosa

- Em um jogo de xadrez, jogar pensando apenas no que é bom no momento da jogada, pode ser desastroso.
- Mas em vários outros jogos, como o jogo de palavras cruzadas, é possível se sair bem fazendo o que parece melhor no momento.
- A **estratégia gulosa** é aquela na qual a solução é construída passo a passo e o próximo passo é sempre o mais vantajoso no momento.
- **Um algoritmo guloso nunca se arrepende de um passo anterior.**
- **Obs.:** Algoritmo de Dijkstra é guloso (**Aula 11**).
- Para vários problemas, esta pode não ser a estratégia ótima, mas para vários outros um algoritmo guloso pode ser uma abordagem atraente e ótima.

Árvore geradora Mínima

- Imaginem que temos alguns computadores, conexões entre eles e precisamos fazer uma rede “sem redundância” com esses computadores.
- A conexão entre computadores possui um custo.
- Nosso objetivo é interligá-los com custo mínimo.
- Este problema pode ser modelado utilizando Grafos:
 - ▶ Cada computador é um vértice,
 - ▶ Cada possível ligação entre os computadores é uma aresta.
- Que estrutura devemos construir para minimizar o custo?
 - ▶ Manter ciclos seria uma boa estratégia?

Teoria dos Grafos

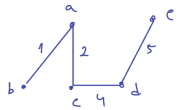
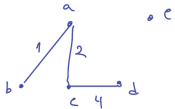
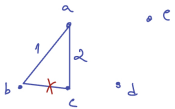
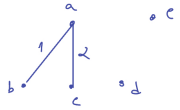
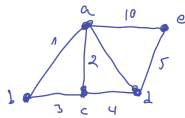
- **Relembrando:** Dado um grafo conexo $G = (V, E)$, uma **árvore geradora** de G é um subgrafo gerador $H = (V, E')$ de G , i.e., um subgrafo que possui o mesmo conjunto de vértices de G , que é uma árvore, i.e., um grafo conexo e acíclico.
- No problema da **árvore geradora mínima** (MST), o grafo G é ponderado, ou seja, a cada aresta é atribuído um custo.
- O objetivo é construir uma árvore geradora para G de **menor custo total**.
- A principal justificativa para a construção de uma árvore geradora é que a remoção de arestas de ciclos não desconecta o grafo.

Abordagem Gulosa 1 - Kruskal

- Começa com o grafo nulo, i.e., sem arestas.
- Adiciona sempre a **aresta de menor custo** e que não forma ciclo no momento.
- É guloso, pois adicionar a aresta de menor custo é a estratégia mais vantajosa no momento.

```
1  Entrada: grafo  $G = (V, E)$  com pesos nas arestas
2
3  A <- conjunto vazio           # conjunto de arestas da árvore
4
5  ordenar arestas de E em ordem crescente de peso
6
7  para cada aresta (u, v) em E (nessa ordem) faça
8      se adicionar (u, v) não forma ciclo então
9          A <- A 'união' {(u, v)}
10
11 retornar A
```

Exemplo



Corretude do Kruskal

- Baseia-se em propriedade da teoria da conectividade
- Um **corte de arestas**, denotado por $[S, S']$ é um conjunto de arestas que têm um extremo em $S \subset V$ e outro em $S' = V \setminus S$.

Propriedade do corte: Suponha que um conjunto de arestas X faça parte de uma MST de $G = (V, E)$. Para todo $S \subset V$ tal que X não possua aresta em $[S, S']$, $X \cup \{e\}$ faz parte de alguma MST, onde e é a aresta de $[S, S']$ de menor custo.

- **Tradução:** Você sempre pode adicionar a aresta de menor custo de qualquer corte, dado que X não possui arestas no corte.
- Mas por que funciona??

Corretude do Kruskal

Ideia da prova:

Seja X o conjunto de arestas de uma MST, T . Se e é uma aresta de X , não há nada a mostrar.

Suponha que $e \notin X$. Vamos construir uma árvore T' diferente de T de custo mínimo e que possua a aresta e .

Adicione e , aresta de custo mínimo em $[S, S']$ a T . Cria-se um ciclo. Existe outra aresta, digamos e' , no corte $[S, S']$. Remova e' .

O grafo é conexo e continua com o mesmo número de arestas de T . Logo, o grafo é uma árvore.

O custo total de T' é o **custo de T** - o **custo de e'** + **custo de e** .

Como e tem custo mínimo em $[S, S']$, o custo de e' é no mínimo o custo de e , mas como T é MST, então sabemos que o custo de e é **igual** ao custo de e' .

Logo, T' é uma MST e e faz parte de T' .

Complexidade do Kruskal

- Primeiro, **ordena** as arestas do grafo por peso:
 $O(m \log m)$, onde m é o número de arestas
- Depois, utilizando uma **estrutura de dados adequada**, verifica a não formação de ciclos e faz-se a fusão:
 $O(m \log n)$, onde n é o número de vértices
- Como $\log m = O(\log n^2) = O(2 \log n) = O(\log n)$, temos complexidade $O(m \log n)$

Como é essa estrutura de dados?

A cada etapa, o algoritmo escolhe uma aresta para ser adicionada na solução parcial.

Assim, precisamos testar se uma aresta candidata uv é de forma que u e v estejam em **componentes conexas** distintas.

Em caso positivo, as componentes devem ser unidas.

Estrutura utilizada: **Conjuntos Disjuntos**

Operações:

- $\text{makeset}(x)$: cria um conjunto unitário contendo x
- $\text{find}(x)$: retorna qual conjunto contém x
- $\text{union}(x, y)$: junta conjuntos contendo x e y .

Com isso, podemos escrever com mais detalhes o **algoritmo de Kruskal**.

Algoritmo de Kruskal

Entrada: Um grafo ponderado conexo $G(V, E)$

Saída: Uma MST definida pelas arestas X .

1. **Para** cada vértice $u \in V$:
2. $makeset(u)$
3. $X = \{\}$
4. $E =$ conjunto E ordenado pelos pesos
5. **Para** cada aresta $\{u, v\} \in E$:
6. **Se** $find(u) \neq find(v)$:
7. adicione aresta $\{u, v\}$ a X
8. $union(u, v)$

Obs.: Total de operações:

$makeset$: $|V|$, linha 1;

$find$: $2|E|$, linhas 5 e 6, uma para cada extremo de aresta;

$union$: $|V| - 1$, linha 8, uma árvore há $|V| - 1$ arestas.

Como efetuar as operações?

Armazenamos um conjunto em uma árvore direcionada:

- A raiz representa o nome do conjunto;
- Cada elemento x possui um marcador $rank(x)$, representando qual altura da árvore com x sendo a raiz.
- Cada nó x possui um ponteiro para seu nó pai na árvore, $\pi(x)$. Se x for raiz, então $\pi(x) = x$.

makeset(x):

$$\pi(x) = x$$

$$rank(x) = 0$$

Complexidade: $O(1)$

find(x):

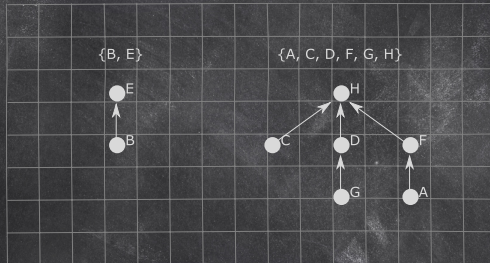
Enquanto $x \neq \pi(x)$:

$$x = \pi(x)$$

Retorne x

Complexidade: $O(h)$, onde h é a altura da árvore associada a x

Árvore



Note que a altura da árvore associada a um conjunto depende da operação de união de conjuntos.

Desejamos construir uma árvore de menor altura possível.

Unimos duas árvores tornando a raiz de uma delas a raiz da nova árvore.

União de duas árvores

union(x, y):

$r_x = \text{find}(x)$

$r_y = \text{find}(y)$

Se $r_x = r_y$:

Retorne r_x

Se $\text{rank}(r_x) > \text{rank}(r_y)$:

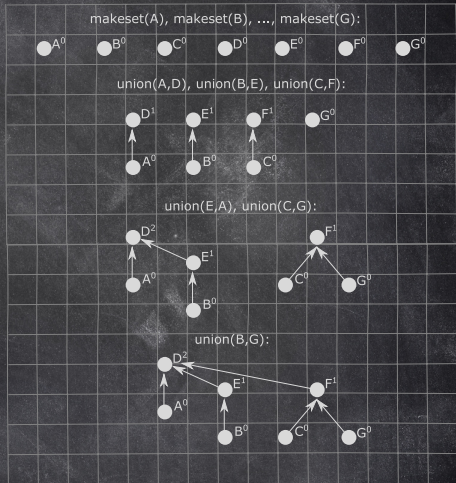
$\pi(r_y) = r_x$

Senão:

$\pi(r_x) = r_y$

Se $\text{rank}(r_x) = \text{rank}(r_y)$:

$\text{rank}(r_y) = \text{rank}(r_y) + 1$



$\text{rank}(x)$ está representado pelo índice sobrescrito do nó x .

Propriedade central

Note que para saber se dois elementos estão em um mesmo conjunto (**que é o mesmo que dizer que dois vértices estão numa mesma componente conexa**), devemos verificar se *find* dos dois vértices é igual ou não.

Isso implica percorrermos no pior caso a altura das árvores associadas para ter essa resposta.

- A altura da árvore é exatamente o $\text{rank}(x)$ tal que x é a raiz da árvore.

Por que? Consequência do algoritmo $\text{union}(x, y)$

Lema: O *rank* de qualquer árvore é no máximo $O(\log n)$.

Prova: Para que uma árvore passe a ter $\text{rank} = k$ pela primeira vez como resultado de uma união, temos pelo menos duas árvores de altura $k - 1$ cada.

Isso faz com que após a união uma subárvore da raiz tenha altura $k - 2$ e a outra com altura $k - 1$. Seja $|T_h|$ número de nós numa árvore de altura h . (**continua...**)

Assim, $|T_k| \geq 1 + |T_{k-1}| + |T_{k-2}|$, onde $|T_0| = 1$, $|T_1| \geq 2$.

Considerando $|F_k|$ o k -ésimo elemento da **sequência de Fibonacci**, temos:
 $|T_k| \geq |F_k|$.

Como $\frac{1}{\sqrt{5}}\left(\frac{1-\sqrt{5}}{2}\right)^k < 1$, para $k > 0$, então:

$$|F_k| = \frac{1}{\sqrt{5}}\left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^k - \frac{1}{\sqrt{5}}\left(\frac{1-\sqrt{5}}{2}\right)^k > \frac{1}{\sqrt{5}}\left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^k - 1:$$

$|T_k| > \frac{1}{\sqrt{5}}\left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^k - 1$, como a base da potenciação é uma constante, então:

$$|T_k| > O(c^k).$$

Aplicando $\log_c$ em ambos os lados e fazendo mudança de base:

$$\log_c |T_k| > k \therefore k < \frac{1}{\log_2 c} \log_2 |T_k| = O(\log |T_k|)$$

Ou seja: $k < O(\log n)$

Concluindo análise do Kruskal

- Ordenação das arestas: $O(m \log m) = O(m \log n)$
- Para cada aresta verificamos se seus extremos estão numa mesma árvore parcial: $O(\log n)$.
 - Como fazemos isso para todas arestas no pior caso, então:
 $O(m \log n)$
- Ao todos, temos $O(m \log n) + O(m \log n) = O(m \log n)$

Algoritmo de Kruskal em python

```
1 def makeset(x, pai, rank):
2     pai[x] = x
3     rank[x] = 0
4
5 def find(x, pai):
6     while x != pai[x]:
7         x = pai[x]
8     return x
9
10 def union(x, y, pai, rank):
11     rx = find(x, pai)
12     ry = find(y, pai)
13
14     if rx == ry:
15         return rx
16
17     if rank[rx] > rank[ry]:
18         pai[ry] = rx
19         return rx
20     else:
21         pai[rx] = ry
22
23     if rank[rx] == rank[ry]:
24         rank[ry] += 1
25
26     return ry
```

```
1 def kruskal(V, E):
2     """
3     V: lista de vertices
4     E: lista de arestas no formato (peso, u, v)
5
6     Retorna:
7     X: conjunto de arestas da MST
8     """
9
10    pai = {}
11    rank = {}
12
13    for u in V:
14        makeset(u, pai, rank)
15
16    X = []
17
18    E = sorted(E)
19
20    for peso, u, v in E:
21        if find(u, pai) != find(v, pai):
22            X.append((u, v, peso))
23            union(u, v, pai, rank)
24
25    return X
```

Algoritmo de Prim

- Tem o mesmo objetivo do algoritmo de Kruskal.
- Começa considerando apenas um vértice.
- Escolhe sempre a aresta de menor peso que liga um vértice já incluído na árvore a um vértice ainda não incluído.
- Diferentemente do algoritmo de Kruskal, que constrói florestas e depois as funde, em cada passo do algoritmo de Prim tem-se uma árvore.
- A corretude deste algoritmo também é justificada pela **propriedade do corte**.
- A complexidade do Algoritmo de Prim é $O(m \log n)$, se uma estrutura de dados adequada for utilizada.

Algoritmo de Prim em python

```
1 import heapq
2
3 def prim(G, W, r):      # G: lista de adjacencia; W: dicionario de pesos; r: raiz inicial
4
5     visitado = {v: False for v in G}
6     pai = {v: None for v in G}
7     chave = {v: float('inf') for v in G}
8
9     chave[r] = 0
10    H = [(0, r)]
11
12    X = []
13
14    while H:
15        peso, u = heapq.heappop(H)
16
17        if visitado[u]:
18            continue
19
20        visitado[u] = True
21
22        if pai[u] is not None:
23            X.append((pai[u], u, peso))
24
25        for v in G[u]:
26            if not visitado[v] and W[(u,v)] < chave[v]:
27                chave[v] = W[(u,v)]
28                pai[v] = u
29            heapq.heappush(H, (chave[v], v))
30
31    return X
```


Algoritmo de Boruvka

- Começa com o grafo nulo.
- Para cada vértice, o algoritmo adiciona a aresta de menor custo, sempre entre vértices de componentes distintos.
- Isto pode resultar em um grafo desconexo.
- Cada componente conexo é visto como um vértice e o procedimento se repete.
- A corretude deste algoritmo também é justificada pela **propriedade do corte**.
- A complexidade do Algoritmo de Boruvka é $O(m \log n)$, se uma estrutura de dados adequada for utilizada.

Algoritmo de Boruvka em python

```
1 def makeset(x, pai, rank):
2     pai[x] = x
3     rank[x] = 0
4
5 def find(x, pai):
6     while x != pai[x]:
7         x = pai[x]
8     return x
9
10 def union(x, y, pai, rank):
11     rx = find(x, pai)
12     ry = find(y, pai)
13
14     if rx == ry:
15         return rx
16
17     if rank[rx] > rank[ry]:
18         pai[ry] = rx
19         return rx
20     else:
21         pai[rx] = ry
22
23     if rank[rx] == rank[ry]:
24         rank[ry] += 1
25
26     return ry
```

```
1 def boruvka(V, E):
2     """
3     V: lista de vertices
4     E: lista de arestas (peso, u, v)
5
6     Retorna:
7     X: arestas da MST
8     """
9
10    pai = {}
11    rank = {}
12
13    for v in V:
14        makeset(v, pai, rank)
15
16    X = []
17
18    num_componentes = len(V)
```

Algoritmo de Boruvka em python (continuação)

```
1  while num_componentes > 1:
2
3      # menor aresta para cada componente
4      menor = {}
5
6      for peso, u, v in E:
7          ru = find(u, pai)
8          rv = find(v, pai)
9
10         if ru == rv:
11             continue
12
13         if ru not in menor or menor[ru][0] > peso:
14             menor[ru] = (peso, u, v)
15
16         if rv not in menor or menor[rv][0] > peso:
17             menor[rv] = (peso, u, v)
18
19     # adiciona as arestas escolhidas
20     for comp in menor:
21         peso, u, v = menor[comp]
22
23         if find(u, pai) != find(v, pai):
24             X.append((u, v, peso))
25             union(u, v, pai, rank)
26             num_componentes -= 1
27
28     return X
```

Comparação dos Algoritmos de MST

- Todos os algoritmos resolvem o mesmo problema da **Árvore Geradora Mínima (MST)**
- Diferem na forma como constroem a solução:

Algoritmo	Estratégia	Estrutura	Ciclos
Kruskal	Escolhe menor aresta global	Union-Find	Evita explicitamente
Prim	Expande uma árvore	Heap (fila de prioridade)	Evita naturalmente
Borůvka	Múltiplas árvores em paralelo	Union-Find	Evita explicitamente

- **Kruskal**: bom para grafos esparsos.
- **Prim**: eficiente com boas estruturas (heap).
- **Borůvka**: permite paralelismo de forma natural.

Todos são corretos pela propriedade do corte.